



Vláda schválila návrh rozpočtu na celogenomové sekvenace z prostředků na vědu, výzkum a inovace (VaVal)

V tuto chvíli se hledá možnost vyplácení peněz všem typům subjektů (zdravotnická zařízení, soukromá zařízení, akademická pracoviště), které vyjádřily zájem se na sekvenování podílet. Finalizuje se také síť laboratorních center.

K prvnímu stupni molekulární surveillance SARS-CoV-2 (PCR screening dříve popsanych mutací) v tuto chvíli odpovědělo na dotazník přes 100 laboratoří. Cílem je zjistit připravenost laboratoří, případně poskytnout metodickou podporu pro zavedení těchto metod a tak do screeningu zapojit maximální množství laboratoří. To umožní odhalit přítomnost známých nežádoucích mutací téměř bezprostředně po zjištění positivity vzorku.

Druhým stupněm surveillance je celogenomové sekvenování viru. Cílem je získat možnost prospektivně sledovat přítomnost a zastoupení konkrétních nebo i nových variant SARS-CoV-2 v České republice. Byla oslovena vybraná sekvenační pracoviště, nyní jich je 13. Závazek je koncipován na dobu nejméně jednoho roku – jedná se o dohled nad nemocí jako požadavek veřejného zdraví a státu (surveillance).

Důležitá je regionalita svozu vzorků, tj. aby bylo jasné, kam se z kterého kraje budou vzorky k sekvenaci svážet tak, aby bylo zachováno rovnoměrné pokrytí ČR. V tomto smyslu se nyní zpracovávají došlé reakce laboratoří.

Ve spolupráci z Ústavem zdravotnických informací a statistiky je upravováno prostředí Informačního systému infekčních nemocí pro příjem výsledků detekce mutací a celogenomových sekvenací tak, aby tyto výsledky mohly být centrálně zpracovávány.

